

## Сведения об оппонентах и ведущей организации

### Оппонент 1. Лебедев Юрий Борисович

доктор биологических наук

Заведующий лабораторией

(Лаборатория сравнительной и функциональной геномики)

Институт биорганической химии им. академиков М.М. Шемякина и Ю.А. Овчинникова

Российской академии наук

1117997, ГСП-7, г. Москва, ул. Миклухо-Маклая, д. 16/10, ИБХ РАН

Тел.: 8(499) 335-01-00

<http://www.ibch.ru/>

Основные публикации по теме диссертации:

- 1) Mamedov IZ, Shagina IA, Kurnikova MA, Novozhilov SN, Shagin DA, Lebedev YB. A new set of markers for human identification based on 32 polymorphic Alu insertions. // *EJHG*. -2010. - Vol. 18. - P. 808-814
- 2) Shagina I., Bogdanova E., Mamedov I., Lebedev Y., Lukyanov S., Shagin D. Normalization of genomic DNA using duplex-specific nuclease. // *BioTechniques* -2010. - Vol. 48. - P. 351–355
- 3) Bolotin DA, Mamedov IZ, Britanova OV, Zvyagin IV, Shagin D, Ustyugova SV, Turchaninova MA, Lukyanov S, Lebedev YB, Chudakov DM. Next generation sequencing for TCR repertoire profiling: platform-specific features and correction algorithms. // *European journal of immunology* . - 2012.- Vol. 42. - P. 3073-83
- 4) Zvyagin IV, Pogorelyy MV, Ivanova ME, Komech EA, Shugay M, Bolotin DA, Shelenkov AA, Kurnosov AA, Staroverov DB, Chudakov DM, Lebedev YB, Mamedov IZ. Distinctive properties of identical twins' TCR repertoires revealed by high-throughput sequencing. // *PNAS*. - 2014. - Vol. 111. - P. 5980-5

### Оппонент 2. Кочетов Алексей Владимирович

доктор биологических наук

Заместитель директора по научно-организационной работе

Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук

630090, г. Новосибирск, пр-т Академика Лавреньева, д. 10, ИЦиГ СО РАН

Тел. : 8(383) 363-49-80

<http://www.bionet.nsc.ru/>

Основные публикации по теме диссертации:

- 1) Volkova O.A. Kochetov A.V. Interrelations between the nucleotide context of human start AUG codon, N-end amino acids of the encoded protein and initiation of translation. // *J Biomol Struct Dyn*. - 2010. - Vol. 27. - P. 611-8
- 2) Kochetov A.V., Volkova O.A., Poliakov A., Dubchak I., Rogozin I.B. Tandem termination signal in plant mRNA. // *Gene* - 2011. - Vol. 481. - P. 1-6
- 3) Bazykin G.A., Kochetov A.V. Alternative translation start sites are conserved in eukaryotic genomes // *Nucleic Acids Res* - 2011. - Vol. 39. - P. 567-77
- 4) Медведева И.В., Вишневецкий О.В., Сафронова Н.С., Кожевникова О.С., Генаев М.А., Кочетов А.В., Афонников Д.А., Орлов Ю.Л. Компьютерный анализ данных экспрессии генов в клетках мозга, полученных с помощью микрочипов и высокопроизводительного секвенирования // *Вавиловский журнал генетики и селекции*. - 2013. - Том 17. - С. 629-38
- 5) Kochetov A.V., Prayaga P.D., Volkova O.A., Sankararamakrishnan R. Hidden coding potential of eukaryotic genomes: non-AUG started ORFs // *Biomol Struct Dyn*. - 2013. - Vol. 481. - P. 1-6

**Ведущая организация. Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта  
Российской академии наук**

Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта Российской академии наук

119991, ГСП-1, г. Москва, ул. Вавилова, д. 32, ИМБ РАН

Тел.: 8(499)135-23-11, 8(499)135-11-60

<http://www.eimb.ru/>

Основные публикации по теме диссертации:

- 1) Abdurashitov MA, Gonchar DA, Chernukhin VA, Tomilov VN, Tomilova JE, Schostak NG, Zatssepina OG, Zelentsova ES, Evgen'ev MB, Degtyarev SK. Medium-sized tandem repeats represent an abundant component of the *Drosophila virilis* genome. // *BMC Genomics*. - 2013. - Vol. 14:771
- 2) Evgen'ev MB. What happens when Penelope comes?: An unusual retroelement invades a host species genome exploring different strategies. // *Mob Genet Elements*. - 2013. - Vol. 3. - e24542
- 3) Rozhkov NV, Zelentsova ES, Shostak NG, Evgen'ev MB. Expression of *Drosophila virilis* retroelements and role of small RNAs in their intrastrain transposition. // *PLoS One*. - 2011. - Vol.6:e21883
- 4) Garbuz DG, Yushenova IA, Zatssepina OG, Przhiboro AA, Bettencourt BR, Evgen'ev MB. Organization and evolution of hsp70 clusters strikingly differ in two species of Stratiomyidae (Diptera) inhabiting thermally contrasting environments. // *BMC Evol Biol*. - 2011. - Vol. 11:74
- 5) Ravin VK, Sukchev MB, Zelentsova ES, Shostak NG, Evgen'ev MB. [Structural and functional analysis of the representatives of a new class of retroelements in *Drosophila* species] // *Mol Biol*. - 2009. - Vol. 43. - P. 357-67
- 6) Tchurikov NA, Kretova OV, Sosin DV, Zykov IA, Zhimulev IF, Kravatsky YV. Genome-wide profiling of `forum_domains_in_Drosophila_melanogaster`. // *Nucleic Acids Res*. - 2011. - Vol. 39. - P. 3667-85
- 7) Tchurikov NA, Kretova OV, Fedoseeva DM, Sosin DV, Grachev SA, Serebraykova MV, Romanenko SA, Vorobieva NV, Kravatsky YV. DNA double-strand breaks coupled with PARP1 and HNRNPA2B1 binding sites flank coordinately expressed `domains_in human chromosomes`. // *PLoS Genet*. - 2013. - Vol. 9. - e1003429
- 8) Vassetzky NS, Kramerov DA. SINEBase: a database and tool for SINE analysis. // *Nucleic Acids Res*. - 2013. - Vol. 41. - P. D83-9