

Сведения об официальном оппоненте Фамилия Имя Отчество (полностью)	Орлов Юрий Львович	
Ученая степень и наименование отрасли наук, научных специальностей, по которым защищена диссертация	Степень Доктор биологических наук	Наименование 03.01.09 - биоинформатика - математическая биология, биоинформатика
Полное наименование организации - основное место работы, должность	Лаборатория эволюционной биоинформатики и теоретической генетики ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, Россия	Заведующий лаборатории, старший научный сотрудник
Список основных публикаций оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за посл. 5 лет (не более 15)	<ol style="list-style-type: none"> 1. Grinchuk O.V., Jenjaroenpun P., Orlov Y.L., Zhou J., Kuznetsov V.A. (2010) Integrative analysis of the human cis-antisense gene pairs, miRNAs and their transcription regulation patterns // <i>Nucleic Acids Res.</i> 38(2):534-47. 2. Heng J.C., Feng B., Han J., Jiang J., Kraus P., Ng J.H., Orlov Y.L., Huss M., Yang L., Lufkin T., Lim B., Ng H.H. (2010) The nuclear receptor Nr5a2 can replace Oct4 in the reprogramming of murine somatic cells to pluripotent cells // <i>Cell Stem Cell.</i> 6(2):167-74. 3. Han J., Yuan P., Yang H., Zhang J., Soh B.S., Li P., Lim S.L., Cao S., Tay J., Orlov Y.L., Lufkin T., Ng H.H., Tam W.L., Lim B. (2010) Tbx3 improves the germ-line competency of induced pluripotent stem cells // <i>Nature.</i> 463(7284):1096-100. 4. Goh W.S., Orlov Y., Li J., Clarke N.D. (2010) Blurring of high-resolution data shows that the effect of intrinsic nucleosome occupancy on transcription factor binding is mostly regional, not local // <i>PLoS Comput Biol.</i> 6(1):e1000649. 5. Guo X., Popadin K.Y., Markuzon N., Orlov Y.L., Kraysberg Y., Krishnan K.J., Zsurka G., Turnbull D.M., Kunz W.S., Khrapko K. Repeats, longevity and the sources of mtDNA deletions: evidence from 'deletional spectra' // <i>Trends Genet.</i> 2010 26(8):340-343. 6. Chia N.-Y., Chan Y.-S., Feng B., Lu X., Orlov Y.L., Moreau D., Kumar P., Yang L., Jiang J., Lau M.-S., Huss M., Soh B.-S., Kraus B.-S., Lufkin T., Lim B., Clarke N., Bard F., Ng H.H. (2010) A genome-wide RNAi screen identifies PRDM14 as a regulator of POU5F1 and human embryonic stem cell identity // <i>Nature.</i> 468(7321): 316-20. 7. Heng J.C., Orlov Y.L., Ng H.H. (2010) Transcription Factors for the Modulation of Pluripotency and 	

Reprogramming // In: *Cold Spring Harb Symp Quant Biol.* 2010; 75:237-44.

8. Joseph R.*, **Orlov Y.L.***, Huss M.*, Sun W., Kong S.L., Ukil L., Pan Y.F., Li G., Lim M., Thomsen J.S., Ruan Y., Clarke N.D., Prabhakar S., Cheung E., Liu E.T. (2010) Integrative model of genomic factors for determining binding site selection by estrogen receptor α // *Mol Syst Biol.* 6:456.
9. **Орлов Ю.Л.**, Ефимов В.М., Орлова Н.Г. (2011) Статистические оценки экспрессии мобильных элементов в геноме человека на основе клинических данных экспрессионных микрочипов // *Вавиловский журнал генетики и селекции.* 15(2): 327-339.
10. Lee K.L., Lim S.K., **Orlov Y.L.**, Yit le Y., Yang H., Ang L.T., Poellinger L., Lim B. (2011) Graded Nodal/Activin signaling titrates conversion of quantitative phospho-Smad2 levels into qualitative embryonic stem cell fate decisions // *PLoS Genet.* 7(6):e1002130.
11. Putta P., **Orlov Y.L.**, Podkolodnyy N.L., Mitra C.K. (2011) Relatively conserved common short sequences in transcription factor binding sites and miRNA // *Вавиловский журнал генетики и селекции.* Том 15, № 4, Стр. 750-756.
12. Li G., Ruan X., Auerbach R.K., Sandhu K.S., Zheng M., Wang P., Poh H.M., Goh Y., Lim J., Zhang J., Sim H.S., Peh S.Q., Mulawadi F.H., Ong C.T., **Orlov Y.L.**, Hong S., Zhang Z., Landt S., Raha D., Euskirchen G., Wei C.L., Ge W., Wang H., Davis C., Fisher-Aylor K.I., Mortazavi A., Gerstein M., Gingeras T., Wold B., Sun Y., Fullwood M.J., Cheung E., Liu E., Sung W.K., Snyder M., Ruan Y. (2012) Extensive promoter-centered chromatin interactions provide a topological basis for transcription regulation // *Cell.* 148(1-2):84-98.
13. **Orlov Y.**, Xu H., Afonnikov D., Lim B., Heng J.C., Yuan P., Chen M., Yan J., Clarke N., Orlova N., Huss M., Gunbin K., Podkolodnyy N., Ng H.H. (2012) Computer and Statistical Analysis of Transcription Factor Binding and Chromatin Modifications by ChIP-seq data in Embryonic Stem Cell // *J Integr Bioinform.* 9(2):211.
14. Кожевникова О.С., Мартыщенко М.К., Генаев М.К., Корболина М.К., Муралева Н.А., Колосова Н.А., **Орлов Ю.Л.** (2012) RatDNA: база данных микрочиповых исследований на крысах для генов, ассоциированных с заболеваниями старения // *Вавиловский журнал генетики и селекции.* 16(4/1): 756-765.
15. **Орлов Ю.Л.**, Брагин А.О., Медведева И.В., Гунбин И.В., Деменков П.С., Вишневский О.В., Левицкий В.Г., Ощепков В.Г., Подколотный Н.Л., Афонников Д.А., Гроссе И., Колчанов Н.А. (2012) ICGenomics: программный комплекс анализа символьных последовательностей геномики // *Вавиловский журнал генетики и селекции.* 16(4/1): 732-741.

