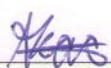


Сведения об официальном оппоненте

Фамилия Имя Отчество (полностью)	Касьянов Артем Сергеевич	
Ученая степень и наименование отрасли наук, научных специальностей, по которым защищена диссертация	Кандидат физико-математических наук	Наименование 03.01.03 - «Молекулярная биология»
Полное наименование организации - основное место работы, должность	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук	Научный сотрудник
Список основных публикаций оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за посл. 5 лет (не более 15)	1: FANTOM Consortium and the RIKEN PMI and CLST (DGT) (включая Kasianov AS) A promoter-level mammalian expression atlas. Nature. 2014 Mar 27;507(7493):462-70. doi: 10.1038/nature13182. PubMed PMID: 24670764; PubMed Central PMCID: PMC4529748. 2: Kulakovskiy IV, Belostotsky AA, Kasianov AS, Esipova NG, Medvedeva YA, Eliseeva IA, Makeev VJ. A deeper look into transcription regulatory code by preferred pair distance templates for transcription factor binding sites. Bioinformatics. 2011 Oct 1;27(19):2621-4. 3: Kulakovskiy IV, Medvedeva YA, Schaefer U, Kasianov AS, Vorontsov IE, Bajic VB, Makeev VJ. HOCOMOCO: a comprehensive collection of human transcription factor binding sites models. Nucleic Acids Res. 2013 Jan;41(Database issue):D195-202. doi: 10.1093/nar/gks1089. Epub 2012 Nov 21. 4: Kulakovskii IV, Kas'ianov AS, Belostotskii AA, Eliseeva IA, Makeev VJu. [Preferred distances between DNA binding sites for factors regulating transcription initiation]. Biofizika. 2011 Jan-Feb;56(1):136-9. Russian. 5: Zakharevich NV, Averina OV, Klimina KM, Kudryavtseva AV, Kasianov AS, Makeev VJ, Danilenko VN. Complete Genome Sequence of Bifidobacterium longum GT15: Unique Genes for Russian Strains. Genome Announc. 2014 Dec 18;2(6). 6: Zakharevich NV, Averina OV, Klimina KM, Kudryavtseva AV, Kasianov AS, Makeev VJ, Danilenko VN. Complete Genome Sequence of Bifidobacterium longum GT15: Identification and Characterization of Unique and Global Regulatory Genes. Microb Ecol. 2015 Oct;70(3):819-34. 7: Kulakovskiy IV, Vorontsov IE, Yevshin IS, Soboleva AV, Kasianov AS, Ashoor H, Ba-Alawi W, Bajic VB, Medvedeva	

	YA, Kolpakov FA, Makeev VJ. HOCOMOCO: expansion and enhancement of the collection of transcription factor binding sites models. Nucleic Acids Res. 2016 Jan 4;44(D1):D116-25. 8: Logacheva MD, Kasianov AS, Vinogradov DV, Samigullin TH, Gelfand MS, Makeev VJ, Penin AA. De novo sequencing and characterization of floral transcriptome in two species of buckwheat (Fagopyrum). BMC Genomics. 2011 Jan 13;12:30.
--	--

кандидат физико-математических наук,
научный сотрудник
лаборатории системной биологии и вычислительной генетики
Федерального государственного бюджетного учреждения науки
Института общей генетики им. Н. И. Вавилова
Российской академии наук(ИОГен РАН)

 /Касьянов А.С./

27 апреля 2016 года

Подпись
удостоверяю

Ученый секретарь ИОГен РАН
доктор биологических наук



 Огаркова О.А.