# Сведения об официальном оппоненте

|  |  |
| --- | --- |
| Фамилия Имя Отчество (полностью)  | Орлов Юрий Львович |
| Ученая степень и наименование отрасли наук, научных специальностей, по которым защищена диссертация  | Степень Доктор биологических наук | Наименование 03.01.09 - математическая биология, биоинформатика |
| Полное наименование организации - основное место работы, должность  | Лаборатория эволюционной биоинформатики и теоретической генетикиИЦиГ СО РАН, Новосибирск, Россия | Cтарший научный сотрудник  |
| Список основных публикаций оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за посл. 5 лет (не более 15)  | 1. Smagin D.A., Kovalenko I.L., Galyamina A.G., Bragin A.O., Orlov Y.L., Kudryavtseva N.N. Dysfunction in Ribosomal Gene Expression in the Hypothalamus and Hippocampus following Chronic Social Defeat Stress in Male Mice as Revealed by RNA-Seq. Neural Plasticity, vol. 2016, Article ID 3289187, 6 pages, 2016. doi:10.1155/2016/3289187
2. Antontseva E.V., Matveeva M.Y., Bondar N.P., Kashina E.V., Leberfarb E.Y., Bryzgalov L.O., Gervas P.A., Ponomareva A.A., Cherdyntseva A.A., Orlov Y.L., Merkulova Y.L. Regulatory single nucleotide polymorphisms (rSNPs) at the beginning of intron 2 of the human KRAS gene. Journal of Biosciences, 40(5), 873–883. DOI 10.1007/s12038-015-9567-8
3. Bai H., Liu H., Suyalatu S., Guo X., Chu S., Chen Y., Lan T., Borjigin B., Orlov Y.L., Posukh O.L., Yang X., Guilan G., Osipova L.P., Wu Q., Narisu N. (2015) Association analysis of genetic variants with type 2 diabetes in a Mongolian population in China // Journal of Diabetes Research 2015:613236. doi: 10.1155/2015/613236.
4. Игнатьева Е.В., Подколодная О.А., Орлов Ю.Л., Васильев Г.В., Колчанов Н.А. (2015) Регуляторная геномика – экспериментально-компьютерные подходы // Генетика Т. 51 (4), С. 409-429.
5. Dobrovolskaya O., Pont C., Sibout R., Martinek P., Badaeva E., Murat F., Chosson A., Watanabe N., Prat E., Gautier N., Gautier V., Poncet C., Orlov Y.L., Krasnikov A.A., Bergès H., Salina E., Laikova L., Salse J. (2015) FRIZZY PANICLE Drives Supernumerary Spikelets in Bread Wheat // Plant Physiol. 167(1):189-99.
6. Орлов Ю.Л. (2014) Компьютерное исследование регуляции транскрипции генов эукариот с помощью данных экспериментов секвенирования и иммунопреципитации хроматина // Вавиловский журнал генетики и селекции. Т. 18, № 1, С. 193-206.
7. Kozhevnikova O.S., Korbolina E.E., Stefanova N.A., Muraleva N.A., Orlov Y.L., Kolosova N.G. (2013) Association of AMD-like retinopathy development with an Alzheimer’s disease metabolic pathway in OXYS rats // Biogerontology. 14(6): 753-62
8. Winata C.L., Kondrychyn I., Kumar V., Srinivasan K.G., Orlov Y., Ravishankar A., Prabhakar S., Stanton L.W., Korzh V., Mathavan S. (2013) Genome-wide analysis reveals Zic3 interaction with distal regulatory elements of stage specific developmental genes in zebrafish. // PLOS Genetics 9(10): e1003852.
9. Суслов В.В., Афонников Д.А., Подколодный Н.Л., Орлов Ю.Л. (2013) Особенности геномного контекста и GC состав генома прокариот в связи с эволюцией среды обитания // Палеонтологический журнал Т. 47(9), 1056-1060.
10. Матушкин Ю.Г., Левицкий В.Г., Соколов В.С., Лихошвай В.А., Орлов Ю.Л. (2013) Эффективность элонгации генов дрожжей коррелирует с плотностью нуклеосомной упаковки в 5’-нетранслируемом районе // Математическая биология и биоинформатика. Т.8. No1. С. 248–257.
11. Matushkun Yu.G., Levitsky V.G., Orlov Yu.L., Likhoshvai V.A., Kolchanov N.A. (2013) Translation efficiency in yeasts correlates with nucleosome formation in promoters // J Biomol Struct Dyn. 31(1): 96-102.
12. Li G., Ruan X., Auerbach R.K., Sandhu K.S., Zheng M., Wang P., Poh H.M., Goh Y., Lim J., Zhang J., Sim H.S., Peh S.Q., Mulawadi F.H., Ong C.T., Orlov Y.L., Hong S., Zhang Z., Landt S., Raha D., Euskirchen G., Wei C.L., Ge W., Wang H., Davis C., Fisher-Aylor K.I., Mortazavi A., Gerstein M., Gingeras T., Wold B., Sun Y., Fullwood M.J., Cheung E., Liu E., Sung W.K., Snyder M., Ruan Y. (2012) Extensive promoter-centered chromatin interactions provide a topological basis for transcription regulation // Cell. 148(1-2):84-98.
13. Orlov Y., Xu H., Afonnikov D., Lim B., Heng J.C., Yuan P., Chen M., Yan J., Clarke N., Orlova N., Huss M., Gunbin K., Podkolodnyy N., Ng H.H. (2012) Computer and Statistical Analysis of Transcription Factor Binding and Chromatin Modifications by ChIP-seq data in Embryonic Stem Cell // J Integr Bioinform. 9(2):211.
14. Putta P., Orlov Y.L., Podkolodnyy N.L., Mitra C.K. (2011) Relatively conserved common short sequences in transcription factor binding sites and miRNA. // Вавиловский журнал генетики и селекции. Том 15, № 4, Стр. 750-756.
15. Lee K.L., Lim S.K., Orlov Y.L., Yit le Y., Yang H., Ang L.T., Poellinger L., Lim B. (2011) Graded Nodal/Activin signaling titrates conversion of quantitative phospho-Smad2 levels into qualitative embryonic stem cell fate decisions. // PLoS Genet. 7(6):e1002130.
 |