

Сведения об официальном оппоненте

Фамилия Имя Отчество (полностью)	Орлов Юрий Львович	
Ученая степень и наименование отрасли наук, научных специальностей, по которым защищена диссертация	Степень Доктор биологических наук	Наименование 03.01.09 - Математическая биология, биоинформатика
Полное наименование организации - основное место работы, должность	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук» (ИЦиГ СО РАН)	Старший научный сотрудник
Список основных публикаций оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за последние 5 лет (не более 15)	<ol style="list-style-type: none"> 1. Computational Errors and Biases in Short Read Next Generation Sequencing. Abnizova I, te Boekhorst R, Orlov Y. J Proteomics Bioinform. 2017; 10:1-17. doi: 10.4172/jpb.1000420 2. Genomic landscape of CpG rich elements in human. Babenko VN, Chadaeva IV, Orlov YL. BMC Evol Biol. 2017; Feb 7;17(Suppl 1):19. doi: 10.1186/s12862-016-0864-0. 3. Analysis of differential gene expression by RNA-seq data in brain areas of laboratory animals. Babenko VN, Bragin AO, Spitsina AM, Chadaeva IV, Galieva ER, Orlova GV, Medvedeva IV, Orlov YL. J Integr Bioinform. 2016; Dec 18;13(4):292. doi: 10.2390/biecoll-jib-2016-292 4. Computational problems of analysis of short next generation sequencing reads. te Boekhorst R, Naumenko FM, Orlova NG, Galieva ER, Spitsina AM, Chadaeva IV, Orlov YL, Abnizova II. <i>Вавиловский журнал генетики и селекции</i>. 2016; 20(6):746-755 doi: 10.18699/VJ16.191 5. Компьютерный анализ совместной локализации сайтов связывания транскрипционных факторов в геноме по данным ChIP-seq. Дергилев А.И., Спицина А.М., Чадаева И.В., Свичкарев А.В., Науменко Ф.М., Кулакова Е.В., Галиева Э.Р., Витяев Е.Е., Чен М., Орлов Ю.Л. <i>Вавиловский журнал генетики и селекции</i>. 2016; 20(6):770-778. 6. Эволюция CpG-островов путем тандемных дупликаций. Бабенко ВН, Орлов ЮЛ, Исакова ЖИ, Антонов ДА, Воевода МИ. <i>Вавиловский журнал генетики и селекции</i>. 2016; 20(6):804-815. 7. Regulatory single nucleotide polymorphisms at the beginning of intron 2 of the human KRAS gene. Antontseva EV, Matveeva MY, Bondar NP, Kashina EV, Leberfarb EY, Bryzgalov LO, Gervas PA, Ponomareva AA, Cherdyntseva NV, Orlov YL, Merkulova TI. J Biosci. 2015; Dec;40(5):873-83. 8. Association Analysis of Genetic Variants with Type 2 Diabetes in a Mongolian Population in China. Bai H, Liu H, Suyalatu S, Guo X, Chu S, Chen Y, Lan T, Borjigin B, Orlov YL, Posukh OL, Yang X, Guilan G, Osipova LP, Wu Q, Narisu N. J Diabetes Res. 2015;2015:613236. doi: 10.1155/2015/613236. Epub 2015 Jul 28. 9. Genome-wide analysis reveals Zic3 interaction with distal regulatory 	

elements of stage specific developmental genes in zebrafish. Winata CL, Kondrychyn I, Kumar V, Srinivasan KG, Orlov Y, Ravishankar A, Prabhakar S, Stanton LW, Korzh V, Mathavan S. PLOS Genetics. 2013; 9(10): e1003852

10. Translation efficiency in yeasts correlates with nucleosome formation in promoters. Matushkin YG, Levitsky VG, Orlov YL, Likhoshvai VA, Kolchanov NA. J Biomol Struct Dyn. 2013; 31(1):96-102. doi: 10.1080/07391102.2012.691366.