

Сведения об официальном оппоненте

Фамилия Имя Отчество (полностью)	Равчев Дмитрий Андреевич	
Ученая степень и наименование отрасли наук, научных специальностей, по которым защищена диссертация	Степень кандидат биологических наук	Наименование 03.00.28 - биоинформатика
Полное наименование организации - основное место работы, должность	Ирландский национальный университет, Голуэй, Ирландия	Научный сотрудник
Список основных публикаций оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за посл. 5 лет (не более 15)	<ol style="list-style-type: none"> 1. Noronha A, Modamio J, Jarosz Y, Guerard E, Sompairac N, Preciat G, Daniélsdóttir AD, Krecke M, Merten D, Haraldsdóttir HS, Heinken A, Heirendt L, Magnúsdóttir S, <u>Ravcheev DA</u>, Sahoo S, Gawron P, Friscioni L, Garcia B, Prendergast M, Puente A, Rodrigues M, Roy A, Rouquaya M, Wiltgen L, Žagare A, John E, Krueger M, Kuperstein I, Zinovyev A, Schneider R, Fleming RMT, Thiele I. The Virtual Metabolic Human database: integrating human and gut microbiome metabolism with nutrition and disease. <i>Nucleic Acids Res.</i> 2019 Jan 8;47(D1):D614-D624. doi: 10.1093/nar/gky992. PubMed PMID: 30371894; PubMed Central PMCID: PMC6323901. 2. <u>Ravcheev DA</u>, Thiele I. Comparative Genomic Analysis of the Human Gut Microbiome Reveals a Broad Distribution of Metabolic Pathways for the Degradation of Host-Synthesized Mucin Glycans and Utilization of Mucin-Derived Monosaccharides. <i>Front Genet.</i> 2017 Aug 29;8:111. doi: 10.3389/fgene.2017.00111. eCollection 2017. PubMed PMID: 28912798; PubMed Central PMCID: PMC5583593. 	

3. Leyn SA, Suvorova IA, Kazakov AE, Ravcheev DA, Stepanova VV, Novichkov PS, Rodionov DA. Comparative genomics and evolution of transcriptional regulons in Proteobacteria. *Microb Genom.* 2016 Jul 11;2(7):e000061. Doi: 10.1099/mgen.0.000061. eCollection 2016 Jul. PubMed PMID: 28348857; PubMed Central PMCID: PMC5343134.
4. Magnúsdóttir S, Heinken A, Kutt L, Ravcheev DA, Bauer E, Noronha A, Greenhalgh K, Jäger C, Baginska J, Wilmes P, Fleming RM, Thiele I. Generation of genome-scale metabolic reconstructions for 773 members of the human gut microbiota. *Nat Biotechnol.* 2017 Jan;35(1):81-89. doi: 10.1038/nbt.3703. Epub 2016 Nov 28. PubMed PMID: 27893703.
5. Ravcheev DA, Thiele I. Genomic Analysis of the Human Gut Microbiome Suggests Novel Enzymes Involved in Quinone Biosynthesis. *Front Microbiol.* 2016 Feb 9;7:128. doi: 10.3389/fmicb.2016.00128. eCollection 2016. PubMed PMID: 26904004; PubMed Central PMCID: PMC4746308.
6. Zhang H, Ravcheev DA, Hu D, Zhang F, Gong X, Hao L, Cao M, Rodionov DA, Wang C, Feng Y. Two novel regulators of N-acetyl-galactosamine utilization pathway and distinct roles in bacterial infections. *Microbiologyopen.* 2015 Dec;4(6):983-1000. doi: 10.1002/mbo3.307. Epub 2015 Nov 5. PubMed PMID: 26540018; PubMed Central PMCID: PMC4694137.
7. Feng Y, Kumar R, Ravcheev DA, Zhang H. *Paracoccus denitrificans* possesses two BioR homologs having a role in regulation of biotin metabolism. *Microbiologyopen.* 2015 Aug;4(4):644-59. doi: 10.1002/mbo3.270. Epub 2015 Jun 2. PubMed PMID: 26037461; PubMed Central PMCID: PMC4554459.
8. Ravcheev DA, Thiele I. Systematic genomic analysis reveals the complementary aerobic

	<p>and anaerobic respiration capacities of the human gut microbiota. <i>Front Microbiol.</i> 2014 Dec 5;5:674. doi: 10.3389/fmicb.2014.00674. ECollection 2014. PubMed PMID: 25538694; PubMed Central PMCID: PMC4257093.</p>
--	------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------