

Сведения об официальном оппоненте

Фамилия Имя Отчество (полностью)	Раменский Василий Евгеньевич	
Ученая степень и наименование отрасли наук, научных специальностей, по которым защищена диссертация	Степень Кандидат физико-математических наук	Наименование 03.00.03 – Молекулярная биология
Полное наименование организации - основное место работы, должность	Федеральное государственное автономное образовательное учреждение высшего образования «Московский физико-технический институт (государственный университет)»	Ведущий научный сотрудник
Список основных публикаций оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за посл. 5 лет (не более 15)	<ol style="list-style-type: none"> <li>1. Svardal H, Jasinska AJ, Apetrei C, Coppola G, Huang Y, Schmitt CA, Jacquelin B, <u>Ramensky V</u>, et al. Ancient hybridization and strong adaptation to viruses across African vervet monkey populations. <i>Nature Genetics</i>. 2017; 49: 1705–1713.</li> <li>2. Jasinska AJ, Zelaya I, Service SK, Peterson CB, Cantor RM, Choi O-W, Young JD, Eskin E, Fairbanks LA, Fears S, Furterer AE, Huang YS, <u>Ramensky V</u>, et al. Genetic variation and gene expression across multiple tissues and developmental stages in a nonhuman primate. <i>Nature Genetics</i>. 2017; 49: 1714–1721.</li> <li>3. Gress A, <u>Ramensky V</u>, Kalinina OV. Spatial distribution of disease-associated variants in three-dimensional structures of protein complexes. <i>Oncogenesis</i>. 2017; 6: e380.</li> <li>4. Huang AY, Yu D, Davis LK, Sul JH, Tsetsos F, <u>Ramensky V</u>, et al. Rare copy number variants in NRXN1 and CNTN6 increase risk for Tourette syndrome. <i>Neuron</i>. 2017; 94: 1101-1111.e7.</li> <li>5. Willsey AJ, Fernandez TV, Yu D, King RA, Dietrich A, Xing J, ..., <u>Ramensky V</u>, et al (125 co-authors). De novo coding variants are strongly associated with Tourette disorder. <i>Neuron</i>. 2017; 94: 486-499.e9.</li> <li>6. Gress A, <u>Ramensky V</u>, Büch J, Keller A, Kalinina OV. StructMAN: annotation of single-nucleotide polymorphisms in the structural context. <i>Nucl Acids Res</i>. 2016; 44: W463–W468.</li> </ol>	

	<ol style="list-style-type: none"><li data-bbox="634 144 1463 399">7. Wesley C. Warren, Jasinska AJ, García-Pérez R, Svardal H, Tomlinson C, Rocchi M, Archidiacono N, Capozzi O, Minx P, Montague MJ, Kyung K, Hillier LW, Kremitzki M, Graves T, Chiang C, Hughes J, Tran N, Huang Y, <u>Ramensky V</u>, et al. The genome of the vervet (<i>Chlorocebus aethiops sabaues</i>). <i>Genome Res.</i> 2015; 25: 1921-1933.</li><li data-bbox="634 399 1463 567">8. Huang YS, <u>Ramensky V</u>, Service SK, Jasinska AJ, Jung Y, Choi O-W, et al. Sequencing strategies and characterization of 721 vervet monkey genomes for future genetic analyses of medically relevant traits. <i>BMC Biology.</i> 2015; 13: 41.</li></ol>
--	--