

## Сведения о ведущей организации

Полное наименование организации	Институт биофизики клетки Российской академии наук – обособленное подразделение Федерального государственного бюджетного учреждения науки «Федеральный исследовательский центр «Пущинский научный центр биологических исследований Российской академии наук»
Сокращенное наименование организации	ИБК РАН ФИЦ ПНЦБИ РАН
Место нахождения	Московская обл., г. Пущино, Проспект Науки, д.3
Почтовый адрес	142290 Российская Федерация Московская обл., г. Пущино, Проспект Науки, д.3
Телефон	+7 (495) 925 59 84
Адрес электронной почты	<a href="mailto:admin@icb.psn.ru">admin@icb.psn.ru</a>
Адрес официального сайта	<a href="http://www.icb.psn.ru">http://www.icb.psn.ru</a>
Список основных публикаций работников организаций по теме диссертации за последние 5 лет (не более 15)	<ol style="list-style-type: none"><li>Purtov YA, Glazunova OA, Antipov SS, Pokusaeva VO, Fesenko EE, Preobrazhenskaya EV, Shavkunov KS, Tutukina MN, Lukyanov VI, Ozoline ON. Promoter islands as a platform for interaction with nucleoid proteins and transcription factors. <i>J Bioinform Comput Biol.</i> 2014 Apr;12(2):1441006. doi: 10.1142/S0219720014410066. Epub 2014 Mar 6. PubMed PMID: 24712533.</li><li>Masulis IS, Babaeva ZSh, Chernyshov SV, Ozoline ON. Visualizing the activity of <i>Escherichia coli</i> divergent promoters and probing their dependence on superhelical density using dual-colour fluorescent reporter vector. <i>Sci Rep.</i> 2015 Jun 17;5:11449. doi: 10.1038/srep11449. PubMed PMID: 26081797; PubMed Central PMCID: PMC4469952.</li><li>Tutukina MN, Potapova AV, Vlasov PK, Purtov YA, Ozoline ON. Structural modeling of the ExuR and UxuR transcription factors of <i>E. coli</i>: search for the ligands affecting their regulatory properties. <i>J Biomol Struct Dyn.</i> 2016 Oct;34(10):2296-304. doi: 10.1080/07391102.2015.1115779. Epub 2016 Jan 6. PubMed PMID: 26549308.</li><li>Neuhaus K, Landstorfer R, Fellner L, Simon S,</li></ol>

- Schafferhans A, Goldberg T, Marx H, Ozoline ON, Rost B, Kuster B, Keim DA, Scherer S. Translatomics combined with transcriptomics and proteomics reveals novel functional, recently evolved orphan genes in *Escherichia coli* O157:H7 (EHEC). *BMC Genomics*. 2016 Feb 24;17:133. doi: 10.1186/s12864-016-2456-1. PubMed PMID: 26911138; PubMed Central PMCID: PMC4765031.
5. Tutukina MN, Potapova AV, Cole JA, Ozoline ON. Control of hexuronate metabolism in *Escherichia coli* by the two interdependent regulators, ExuR and UxuR: derepression by heterodimer formation. *Microbiology*. 2016 Jul;162(7):1220-31. doi: 10.1099/mic.0.000297. Epub 2016 Apr 29. PubMed PMID: 27129867.
  6. Antipov SS, Tutukina MN, Preobrazhenskaya EV, Kondrashov FA, Patrushev MV, Toshchakov SV, Dominova I, Shvyreva US, Vrublevskaya VV, Morenkov OS, Sukharicheva NA, Panyukov VV, Ozoline ON. The nucleoid protein Dps binds genomic DNA of *Escherichia coli* in a non-random manner. *PLoS One*. 2017 Aug 11;12(8):e0182800. doi: 10.1371/journal.pone.0182800. eCollection 2017. PubMed PMID: 28800583; PubMed Central PMCID: PMC5553809.
  7. Antipov S, Turishchev S, Purtov Y, Shvyreva U, Sinelnikov A, Semov Y, Preobrazhenskaya E, Berezhnoy A, Shusharina N, Novolokina N, Vakhtel V, Artyukhov V, Ozoline O. The Oligomeric Form of the *Escherichia coli* Dps Protein Depends on the Availability of Iron Ions. *Molecules*. 2017 Nov 5;22(11). pii: E1904. doi: 10.3390/molecules22111904. PubMed PMID: 29113077; PubMed Central PMCID: PMC6150300.
  8. Alikina OV, Glazunova OA, Bykov AA, Kiselev SS, Tutukina MN, Shavkunov KS, Ozoline ON. A cohabiting bacterium alters the spectrum of short RNAs secreted by *Escherichia coli*. *FEMS Microbiol Lett*. 2018 Dec 1;365(24). doi: 10.1093/femsle/fny262. PubMed PMID: 30376063.
  9. Ozoline ON, Jass J. Editorial: Secretion and signalling of bacterial RNAs. *FEMS Microbiol*

	Lett. 2019 Jan 1;366(1). doi: 10.1093/femsle/fny281. PubMed PMID: 30517616.
--	---