

Сведения об официальном оппоненте

Фамилия Имя Отчество (полностью)	Мошковский Сергей Александрович	
Ученая степень и наименование отрасли наук, научных специальностей, по которым защищена диссертация	Доктор биологических наук	Наименование 03.01.04 – биохимия
Полное наименование организации - основное место работы, должность	Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования "Российский национальный исследовательский медицинский университет имени Н.И. Пирогова" Министерства здравоохранения Российской Федерации заведующий кафедрой биохимии медико-биологического факультета	Заведующий кафедрой биохимии медико-биологического факультета
Список основных публикаций оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за посл. 5 лет (не более 15)	<p>1. Tarasova I.A., Tereshkova A.V., Lobas A.A., Solovyeva E.V., Sidorenko A.S., Gorshkov V., Kjeldsen F., Bubis Ju.A., Ivanov M.V., Ilina I.Y., Moshkovskii S.A., Chumakov P.M., Gorshkov M.V., Comparative proteomics as a tool for identifying specific alterations within interferon response pathways in human glioblastoma multiforme cells, <i>Oncotarget</i>, 2018, 9(2), P.1785-1802</p> <p>2. Ivanov M.V., Lobas A.A., Karpov D.S., Moshkovskii S.A., Gorshkov M.V. , Comparison of false discovery rate control strategies for variant peptide identifications in shotgun proteogenomics, <i>Journal of Proteome Research</i>, 2017, 16(5), P.1936-1943</p> <p>3. Lobas A.A., Karpov D.S., Kopylov A.T., Solovyeva E.M., Ivanov M.V., Ilina I.Y., Lazarev V.N., Kuznetsova K.G., Ilgisonis E.V., Zgoda V.G., Gorshkov M.V., Moshkovskii S.A., Exome-based proteogenomics of HEK-293 human cell line: Coding genomic variants identified at the level of shotgun proteome, <i>Proteomics</i>, 2016, 16(14), P. 1980-1991</p> <p>4. Kliuchnikova A.A., Kuznetsova K.G., Moshkovskii S.A., ADAR-mediated messenger RNA Editing: Analysis at the</p>	

proteome level, *Biochemistry (Moscow) Supplement Series B: Biomedical Chemistry*, 2017, 11(1), P.32-42

5. Ivanov M.V., Levitsky L.I., Lobas AA., Tarasova I.A., Pridatchenko M.L., Zgoda V.G., Moshkovskii S.A., Mitulovic G., Gorshkov M.V., Peptide identification in “shotgun” proteomics using tandem mass spectrometry: Comparison of search engine algorithms, *Journal of Analytical Chemistry*, 2015, 70(14), 1614-1619

6. Chernobrovkin A.L., Kopylov A.T., Zgoda V.G., Moysa A.A., Pyatnitskiy M.A., Kuznetsova K.G., Ilina I.Y., Karpova M.A., Karpov D.S., Veselovsky A.V., Ivanov M.V., Gorshkov M.V., Archakov A.I., Moshkovskii S.A., Methionine to isothreonine conversion as a source of false discovery identifications of genetically encoded variants in proteogenomics, *Journal of Proteomics*, 2015, 120, P. 169-178

7. Pyatnitskiy M., Karpov D., Poverennaya E., Lisitsa A., Moshkovskii S., Bringing Down Cancer Aircraft: Searching for Essential Hypomutated Proteins in Skin Melanoma, *PLoS One*, 2015, 10(11), e0142819

8. Moshkovskii SA, Ivanov MV, Kuznetsova KG, Gorshkov MV. Identification of Single Amino Acid Substitutions in Proteogenomics, *Biokhimiya*, 2018, 83(3) P.250-258.

9. Kopylov AT, Ponomarenko EA, Ilgisonis EV, Pyatnitskiy MA, Lisitsa AV, Poverennaya EV, Kiseleva OI, Farafonova TE, Tikhonova OV, Zavialova MG, Novikova S, Moshkovskii SA, Radko SP, Morukov BV, Grigoriev AI, Paik YK, Salekdeh GH, Urbani A, Zgoda VG, Archakov AI. 200+ Protein Concentrations in Healthy Human Blood Plasma: Targeted Quantitative SRM SIS Screening of Chromosomes 18, 13, Y and the Mitochondrial Chromosome Encoded Proteome, *Journal of Proteome Research*, 2018 – Epub ahead of print.

10. Solovyeva EM., Lobas AA., Kopylov AT., Ilina IY., Levitsky LI., Moshkovskii SA., Gorshkov MV. FractionOptimizer: a method for optimal peptide fractionation in bottom-up proteomics // *Analytical and Bioanalytical Chemistry*, 2018, 410(16), P.3827-3833.

11. Poverennaya EV, Kopylov AT, Ponomarenko EA, Ilgisonis EV, Zgoda VG, Tikhonova OV, Novikova SE, Farafonova TE, Kiseleva YY, Radko SP, Vakhrushev IV, Yarygin KN, Moshkovskii SA, Kiseleva OI, Lisitsa AV, Sokolov AS, Mazur AM, Prokhortchouk EB, Skryabin KG, Kostrjukova ES, Tyakht AV, Gorbachev AY, Ilina EN, Govorun VM, Archakov AI. State

	<p>of the Art of Chromosome 18-Centric HPP in 2016: Transcriptome and Proteome Profiling of Liver Tissue and HepG2 Cells, Journal of Proteome Research, 2016, 15(11) P.4030-4038.</p>
--	---