

Сведения об официальном оппоненте

| | | |
|---|--|---|
| <p>Фамилия Имя Отчество (полностью)</p> | <p>Поволоцкая Инна Сергеевна</p> | |
| <p>Ученая степень и наименование отрасли наук, научных специальностей, по которым защищена диссертация</p> | <p>Степень PhD, признаваемый в РФ</p> | <p>Наименование Биомедицина</p> |
| <p>Полное наименование организации - основное место работы, должность</p> | <p>Научно-исследовательский клинический институт педиатрии имени академика Ю. Е. Вельтищева ФГАОУ ВО РНИМУ им. Н. И. Пирогова Минздрава России</p> | <p>Заведующая лабораторией клинической геномики и биоинформатики, ведущий научный сотрудник</p> |
| <p>Список основных публикаций оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за посл. 5 лет (не более 15)</p> | <ol style="list-style-type: none"> <li data-bbox="587 1178 1442 1472">1. Serres-Armero A., <u>Povolotskaya I. S.</u>, Quilez J., Ramirez O., Santpere G., Kuderna L. F., ... & Fan Z., 2017. Similar genomic proportions of copy number variation within gray wolves and modern dog breeds inferred from whole genome sequencing. <i>BMC genomics</i>, 18(1), 977. <li data-bbox="587 1493 1442 1942">2. Librado P., Gamba C., Gaunitz C., Der Sarkissian C., Pruvost M., Albrechtsen A., Fages A., Khan N., Schubert M., Jagannathan V., Serres-Armero A., Kuderna L.F.K., <u>Povolotskaya I.S.</u>, Seguin-Orlando A., Lepetz, S., Neuditschko M., Thèves C., Alquraishi S., Alfarhan A.H., Al-Rasheid K., Rieder S., Samashev Z., Francfort, H.P. Benecke, N. Hofreiter, M. Ludwig, A. Keyser, C. Marques-Bonet, T. Ludes, B. Crubézy, E. Leeb, T. Willerslev, E. Orlando L., 2017. Ancient | |

genomic changes associated with domestication of the horse. Science.

<https://doi.org/10.1126/science.aam5298>

3. Kuderna L.F.K., Tomlinson C., Hillier LD.W., Tran A., Fiddes I., Armstrong J., Laayouni H., Gordon D., Huddleston J., Garcia Perez R., Povolotskaya I., Serres Armero A., Gómez Garrido J., Ho D., Ribeca P., Alioto T., Green R.E., Paten B., Navarro A., Bertranpetit J., Herrero J., Eichler E.E., Sharp A.J., Feuk L., Warren L.C., Marques-Bonet T. , 2017. A 3-way hybrid approach to generate a new high-quality chimpanzee reference genome (Pan_tro_3.0). Gigascience, 6(11), gix098.

4. Pokusaeva V.O., Usmanova D.R., Putintseva E. V., Espinar L., Sarkisyan K.S., Mishin A.S., Bogatyreva N.S., Ivankov D.N., Akopyan A.V., Avvakumov S.Y., Povolotskaya I.S., Filion G.J., Carey L.B., Kondrashov F.A., 2019. An experimental assay of the interactions of amino acids from orthologous sequences shaping a complex fitness landscape. PLoS Genet. <https://doi.org/10.1371/journal.pgen.1008079>