

Сведения об официальном оппоненте

<p>Фамилия Имя Отчество (полностью)</p>	<p>Самсонова Мария Георгиевна</p>	
<p>Ученая степень и наименование отрасли наук, научных специальностей, по которым защищена диссертация</p>	<p>Степень Доктор биологических наук</p>	<p>Наименование 03.00.28 – биоинформатика</p>
<p>Полное наименование организации - основное место работы, должность</p>	<p>Федеральное государственное автономное образовательное учреждение высшего образования «Санкт-Петербургский политехнический университет Петра Великого»</p>	<p>Профессор кафедры «Прикладная математика», заведующая научно-исследовательской лабораторией «Научно-исследовательская лаборатория математической биологии и биоинформатики»</p>
<p>Список основных публикаций оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за посл. 5 лет (не более 15)</p>	<ol style="list-style-type: none"> 1. Ong PW, Lin YP, Chen HW, Lo CY, Burlyaeva M, Noble T, Nair RM, Schafleitner R, Vishnyakova M, Bishop-von-Wettberg E, Samsonova MG, Nuzhdin S, Ting CT, Lee CR. Environment as a limiting factor of the historical global spread of mungbean. <i>Elife</i>. 2023 May 19;12:e85725. 2. Igolkina AA, Noujdina NV, Vishnyakova M, Longcore T, von Wettberg E, Nuzhdin SV, Samsonova MG. Historical routes for diversification of domesticated chickpea inferred from landrace genomics. <i>Mol Biol Evol</i>. 2023 May 9:msad110. 3. Surkova SY, Samsonova MG. Mechanisms of Vernalization-Induced Flowering in Legumes. <i>Int J Mol Sci</i>. 2022 Aug 31;23(17):9889. 4. Duk MA, Gursky VV, Samsonova MG, Surkova SY. Application of Domain- and Genotype-Specific Models to Infer Post-Transcriptional Regulation of Segmentation Gene Expression in <i>Drosophila</i>. <i>Life (Basel)</i>. 2021 Nov 13;11(11):1232. 5. Pavlinova P, Samsonova MG, Gursky VV. Dynamical Modeling of the Core Gene Network Controlling Transition to Flowering in <i>Pisum sativum</i>. <i>Front Genet</i>. 2021 Mar 11;12:614711. 	

6. Igolkina AA, Meshcheryakov G, Gretsova MV, Nuzhdin SV, **Samsonova MG**. Multi-trait multi-locus SEM model discriminates SNPs of different effects. BMC Genomics. 2020 Jul 28;21(Suppl 8):490.
7. Sokolkova A, Bulyntsev SV, Chang PL, Carrasquilla-Garcia N, Igolkina AA, Noujdina NV, von Wettberg E, Vishnyakova MA, Cook DR, Nuzhdin SV, **Samsonova MG**. Genomic Analysis of Vavilov's Historic Chickpea Landraces Reveals Footprints of Environmental and Human Selection. Int J Mol Sci. 2020 May 31;21(11):3952
8. Shin MG, Bulyntsev SV, Chang PL, Korbu LB, Carrasquilla-Garcia N, Vishnyakova MA, **Samsonova MG**, Cook DR, Nuzhdin SV. Multi-trait analysis of domestication genes in *Cicer arietinum* - *Cicer reticulatum* hybrids with a multidimensional approach: Modeling wide crosses for crop improvement. Plant Sci. 2019 Aug;285:122-131.
9. Kovalev MS, Igolkina AA, **Samsonova MG**, Nuzhdin SV. A Pipeline for Classifying Deleterious Coding Mutations in Agricultural Plants. Front Plant Sci. 2018 Nov 28;9:1734.
10. Gursky VV, Kozlov KN, Nuzhdin SV, **Samsonova MG**. Dynamical Modeling of the Core Gene Network Controlling Flowering Suggests Cumulative Activation From the FLOWERING LOCUS T Gene Homologs in Chickpea. Front Genet. 2018 Nov 20;9:547. doi: 10.3389/fgene.2018.00547.