

Сведения об официальном оппоненте

<p>Фамилия Имя Отчество (полностью)</p>	<p>Раменский Василий Евгеньевич</p>	
<p>Ученая степень и наименование отрасли наук, научных специальностей, по которым защищена диссертация</p>	<p>Ученая степень Кандидат физико-математических наук</p> <p>Ученое звание Доцент</p>	<p>Наименование специальности 03.00.03 – Молекулярная биология</p>
<p>Полное наименование организации - основное место работы, должность</p>	<p>Федеральное государственное бюджетное учреждение «Национальный медицинский исследовательский центр терапии и профилактической медицины» Министерства здравоохранения Российской Федерации</p>	<p>Руководитель Лаборатории геномной и медицинской биоинформатики</p>
<p>Список основных публикаций оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за посл. 5 лет (не более 15)</p>	<ol style="list-style-type: none"> 1. Gress, A., Sriakulam, S. K., Keller, S., Ramensky, V., & Kalinina, O. V. (2022). d-StructMAN: Containerized structural annotation on the scale from genetic variants to whole proteomes. In GigaScience (Vol. 11). Oxford University Press (OUP). https://doi.org/10.1093/gigascience/giac086 2. Blokhina, A. V., Ershova, A. I., Meshkov, A. N., Kiseleva, A. V., Klimushina, M. V., Zharikova, A. A., Sotnikova, E. A., Ramensky, V. E., & Drapkina, O. M. (2022). Phenotypic vs. genetic cascade screening for familial hypercholesterolemia: A case report. In Frontiers in Cardiovascular Medicine (Vol. 9). Frontiers Media SA. https://doi.org/10.3389/fcvm.2022.982607 3. Sotnikova, E. A., Kiseleva, A. V., Kutsenko, V. A., Zharikova, A. A., Ramensky, V. E., Divashuk, M. G., Vyatkin, Y. V., Klimushina, M. V., Ershova, A. I., Revazyan, K. Z., Skirko, O. P., Zaicenoka, M., Efimova, I. A., Pokrovskaya, M. S., Kopylova, O. V., Glechan, A. M., Shalnova, S. A., Meshkov, A. N., & Drapkina, O. M. (2022). Identification of Pathogenic Variant Burden and Selection of Optimal Diagnostic Method Is a Way to Improve Carrier Screening for Autosomal Recessive Diseases. In Journal of Personalized Medicine (Vol. 12, Issue 7, p. 1132). MDPI AG. https://doi.org/10.3390/jpm12071132 	

4. Zahir Shah, Elena S. Filonenko, Vasily Ramensky, Chenyu Fan, Cuihua Wang, Hanif Ullah, Baoyun Zhang, Pavel Volchkov, & Igor M. Samokhvalov. (2020). MYB bi-allelic targeting abrogates primitive clonogenic progenitors while the emergence of primitive blood cells is not affected. In *Haematologica* (Vol. 106, Issue 8, pp. 2191–2202). Ferrata Storti Foundation (Haematologica).
<https://doi.org/10.3324/haematol.2020.249193>
5. Lioznova, A. V., Khamis, A. M., Artemov, A. V., Besedina, E., Ramensky, V., Bajic, V. B., Kulakovskiy, I. V., & Medvedeva, Y. A. (2019). CpG traffic lights are markers of regulatory regions in human genome. In *BMC Genomics* (Vol. 20, Issue 1). Springer Science and Business Media LLC.
<https://doi.org/10.1186/s12864-018-5387-1>
6. Locke, A. E., Steinberg, K. M., Chiang, C. W. K., Service, S. K., Havulinna, A. S., Stell, L., Pirinen, M., Abel, H. J., Chiang, C. C., Fulton, R. S., Jackson, A. U., Kang, C. J., Kanchi, K. L., Koboldt, D. C., Larson, D. E., Nelson, J., Nicholas, T. J., Pietilä, A., ... Ramensky, V. (2019). Exome sequencing of Finnish isolates enhances rare-variant association power. In *Nature* (Vol. 572, Issue 7769, pp. 323–328). Springer Science and Business Media LLC.
<https://doi.org/10.1038/s41586-019-1457-z>