

Сведения об официальном оппоненте
 по диссертации Храмеевой Екатерины Евгеньевны
 «Архитектура хроматина и ее регуляторная роль в клетках головного мозга»,
 представленной на соискание ученой степени
 доктора биологических наук по специальности 1.5.8 - Математическая биология,
 биоинформатика

Фамилия Имя Отчество (полностью)	Пономаренко Елена Александровна	
Ученая степень и наименование отрасли наук, научных специальностей, по которым защищена диссертация	Степень Доктор биологических наук	Наименование 03.01.09 – математическая биология, биоинформатика 03.01.04 – биохимия
Полное наименование организации - основное место работы, должность	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение "Научно-исследовательский институт биомедицинской химии имени В.Н. Ореховича"	Директор
Список основных публикаций оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за посл. 5 лет (не более 15)	<p>1. Ponomarenko, E. A., Krasnov, G. S., Kiseleva, O. I., Kryukova, P. A., Arzumanyan, V. A., Dolgalev, G. V., ... & Poverennaya, E. V. (2023). Workability of mRNA Sequencing for Predicting Protein Abundance. <i>Genes</i>, 14(11), 2065.</p> <p>2. Poverennaya, E. V., Pyatnitskiy, M. A., Dolgalev, G. V., Arzumanyan, V. A., Kiseleva, O. I., Kurbatov, I. Y., ... & Ponomarenko, E. A. (2023). Exploiting Multi-Omics Profiling and Systems Biology to Investigate Functions of TOMM34. <i>Biology</i>, 12(2), 198.</p> <p>3. Lokhov, P. G., Balashova, E. E., Trifonova, O. P., Maslov, D. L., Grigoriev, A. I., Ponomarenko, E. A., & Archakov, A. I. (2023). Mass Spectrometric Blood Metabogram: Acquisition, Characterization, and Prospects for Application. <i>International Journal of Molecular Sciences</i>, 24(2), 1736.</p> <p>4. Ilgisonis, E. V., Ponomarenko, E. A., Tarbeeva, S. N., Lisitsa, A. V., Zgoda, V. G., Radko, S. P., & Archakov, A. I. (2022). Gene-centric coverage of the human liver transcriptome: QPCR, Illumina, and Oxford Nanopore RNA-Seq. <i>Frontiers in Molecular Biosciences</i>, 9, 944639.</p> <p>5. Kozlova, A., Shkrigunov, T., Gusev, S., Guseva, M., Ponomarenko, E., & Lisitsa, A. (2022). An Open-Source Pipeline for Processing Direct Infusion Mass Spectrometry Data of the Human Plasma Metabolome. <i>Metabolites</i>, 12(8),</p>	

768.

6. Pyatnitskiy, M. A., Arzumanian, V. A., Radko, S. P., Ptitsyn, K. G., Vakhrushev, I. V., Poverennaya, E. V., & Ponomarenko, E. A. (2021). Oxford nanopore MinION direct RNA-seq for systems biology. *Biology*, 10(11), 1131.

7. Ilgisonis, E., Vavilov, N., Ponomarenko, E., Lisitsa, A., Poverennaya, E., Zgoda, V., ... & Archakov, A. (2021). Genome of the single human chromosome 18 as a “gold standard” for its transcriptome. *Frontiers in genetics*, 12, 674534.

8. Lokhov, P. G., Balashova, E. E., Trifonova, O. P., Maslov, D. L., Ponomarenko, E. A., & Archakov, A. I. (2020). Mass spectrometry-based metabolomics analysis of obese patients' blood plasma. *International Journal of Molecular Sciences*, 21(2), 568.

9. Balashova, E. E., Lokhov, P. G., Ponomarenko, E. A., Markin, S. S., Lisitsa, A. V., & Archakov, A. I. (2019). Metabolomic diagnostics and human digital image. *Personalized medicine*, 16(2), 133-144.

10. Krasnov, G., Shkrigunov, T., Radko, S., Ptitsyn, K., Shapovalova, V., Timoshenko, O., ... & Ponomarenko, E. (2021). Human Chr18 transcriptome dataset combined from the Illumina HiSeq, ONT MinION, and qPCR data. *Data in Brief*, 36, 107130.