

Сведения о ведущей организации  
по диссертации Кононковой Анны Дмитриевны  
«Структура хроматина дрозофилы в контексте влияния белков ядерной периферии и  
процессов, ассоциированных с ранними стадиями сперматогенеза»,  
представленной на соискание ученой степени  
кандидата биологических наук по специальности 1.5.8 - Математическая биология,  
биоинформатика

Полное наименование организации	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки «Институт общей генетики им. Н.И.Вавилова Российской академии наук»
Сокращенное наименование организации	ИОГенРАН
Местонахождения	119991, ГСП-1, г. Москва, ул. Губкина, д. 3
Почтовый адрес	119333, ГСП-1, г. Москва, ул. Губкина, д. 3
Телефон	+7(499) 135-62-13
Адрес электронной почты	iogen@vigg.ru
Адрес официального сайта	<a href="http://vigg.ru">http://vigg.ru</a>
Список основных публикаций работников организации по теме диссертации за последние 5 лет (не более 15)	<ol style="list-style-type: none"><li>1. Erokhin, M., Brown, J., Lomaev, D., Vorobyeva, N., Zhang, L., Fab, L., Mazina, M., Kulakovskiy, I., ... &amp; Chetverina, D. (2023). "Crol contributes to PRE-mediated repression and Polycomb group proteins recruitment in <i>Drosophila</i>". <i>Nucleic Acids Research</i>, Volume 51, Issue 12, Pages 6087–6100</li><li>2. Gusev, F., Andreeva, T. &amp; Rogaev, E. (2023). Methods for ChIP-seq Normalization and Their Application for the Analysis of Regulatory Elements in Brain Cells. <i>Russ J Genet</i> 59, 745–753.</li><li>3. Matveevsky, S., Tropin, N., Kucheryavyy, A. and Kolomiets, O. (2023). "The First Analysis of Synaptonemal Complexes in Jawless Vertebrates: Chromosome Synapsis and Transcription Reactivation at Meiotic Prophase I in the Lamprey <i>Lampetra fluviatilis</i> (Petromyzontiformes, Cyclostomata)" <i>Life</i> 13, no. 2: 501.</li><li>4. Danilov, L., Sukhanova, X., Rogoza, T., Antonova, E., Trubitsina, N., Zhouravleva, G., and Bondarev, S. (2023). "Identification of New FG-Repeat Nucleoporins with Amyloid Properties" <i>International Journal of</i></li></ol>

- Molecular Sciences 24, no. 10: 8571.
- 5. Anisimova, A., Kolyupanova, N., Makarova, N., Egorov, A., Kulakovskiy, I., and Dmitriev, S. 2023. "Human Tissues Exhibit Diverse Composition of Translation Machinery" International Journal of Molecular Sciences 24, no. 9: 8361.
  - 6. Abramov, S., Boytsov, A., Bykova, D. et al. (2021). Landscape of allele-specific transcription factor binding in the human genome. Nat Commun 12, 2751
  - 7. Danilov, Lavrentii G., Moskalenko, S., Matveenko, A., Sukhanova, X., Belousov, M., Zhouravleva, G., and Bondarev, S. (2021). "The Human NUP58 Nucleoporin Can Form Amyloids In Vitro and In Vivo", Biomedicines 9, no. 10: 1451.
  - 8. Gusev, F., Reshetov, D., Mitchell, A., Andreeva, T., Dincer, A., Grigorenko, A., Fedonin, G., Halene, T., Aliseychik, M., Goltsov, A., Solovyev, V., Brizgalov, L., Filippova, E., Weng, Z., Akbarian, S., & Rogaev, E. (2019). "Epigenetic-genetic chromatin footprinting identifies novel and subject-specific genes active in prefrontal cortex neurons." FASEB journal: official publication of the Federation of American Societies for Experimental Biology, 33(7), 8161–8173.
  - 9. Penin, A., Klepikova, A., Kasianov, A., Gerasimov, E., and Logacheva, M. (2019). "Comparative Analysis of Developmental Transcriptome Maps of Arabidopsis thaliana and Solanum lycopersicum" Genes 10, no. 1: 50.
  - 10. Igolkina, A., Zinkevich, A., Karandasheva, K., Popov, A., Selifanova, M., Nikolaeva, D., Tkachev, V., Penzar, D., Nikitin, D., Buzdin, A. (2019). "H3K4me3, H3K9ac, H3K27ac, H3K27me3 and H3K9me3 Histone Tags Suggest Distinct Regulatory Evolution of Open and Condensed Chromatin Landmarks" Cells 8, no. 9: 1034.