

Сведения о ведущей организации

по диссертации Севастьянова Никиты Сергеевича

«Эволюция брачных сигналов и видообразование саранчовых подсемейства Gomphocerinae (Orthoptera: Acrididae)»,

представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.8 - Математическая биология, биоинформатика

Полное наименование организации	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Зоологический институт Российской академии наук
Сокращенное наименование организации	ЗИН РАН
Местонахождения	199034, г. Санкт-Петербург, Университетская наб., 1-3.
Почтовый адрес	199034, г. Санкт-Петербург, Университетская наб., 1-3.
Телефон	+7 (812) 328-03-11
Адрес электронной почты	admin@zin.ru office@zin.ru
Адрес официального сайта	http://www.zin.ru
Список основных публикаций работников организации по теме диссертации за последние 5 лет (не более 15)	1. Talavera G., Lukhtanov V., Pierce N., Vila R. 2022. DNA barcodes combined with multilocus data of representative taxa can generate reliable higher-level phylogenies. <i>Systematic Biology</i>, 71(2): 382–395. https://doi.org/10.1093/sysbio/syab038 2. Russel P.J.C., Lukhtanov V.A., Tennent W.J. 2022. Reassessment of the status of some European and Asian <i>Melitaea</i> taxa described as subspecies of <i>Melitaea phoebe</i> ([Denis & Schiffermüller], 1775), with designations of lectotypes where appropriate (Lepidoptera: Nymphalidae). <i>Zootaxa</i>, 5141(1): 025–038. https://doi.org/10.11646/zootaxa.5141.1.2 3. Pazhenkova, E.A.; Lukhtanov, V.A. 2023. Whole-genome analysis reveals the dynamic evolution of holocentric chromosomes in satyrine butterflies. <i>Genes</i>, 14, 437. https://doi.org/10.3390/genes14020437 4. Pazhenkova E.A., Lukhtanov V.A. 2023.

Chromosomal conservatism vs chromosomal megaevolution: enigma of karyotypic evolution in Lepidoptera. *Chromosome Research*, 31, 16.
<https://doi.org/10.1007/s10577-023-09725-9>

5. Lukhtanov V.A., Pazhenkova E.A. 2023. Diversity and evolution of telomeric motifs and telomere DNA organization in insects. *Biological Journal of the Linnean Society*, 140, 536–555.
<https://doi.org/10.1093/biolinnean/blad068>
6. Lukhtanov V.A., Shapoval N.A., Dantchenko A.V., Eckweiler W. 2023. Phylogenetic structure revealed through combining DNA barcodes with multi-gene data for *Agrodiaetus* blue butterflies (Lepidoptera, Lycaenidae). *Insects*, 14(9), 769.
<https://doi.org/10.3390/insects14090769>
7. Lukhtanov V.A., Zakharov E.V. 2023. Taxonomic structure and wing pattern evolution in the *Parnassius mnemosyne* species complex (Lepidoptera, Papilionidae). *Insects*, 14, 942.
<https://doi.org/10.3390/insects14120942>
8. Lukhtanov V.A. 2024. Polytypic species concept and subspecies in the genomic era. *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America*, 121(9), e2317038121.
<https://doi.org/10.1073/pnas.2317038121>
9. Lukhtanov V.A., Botman R.V., Gagarina A.V. 2024. DNA barcode based phylogeographic analysis of the *Aricia anteros* (Freyer, 1838) species complex (Lepidoptera: Lycaenidae) with description of a new subspecies from SE Europe. *Zootaxa*, 5468 (3): 505–522.
<https://doi.org/10.11646/zootaxa.5468.3.5>
10. Lukhtanov VA, Dantchenko AV. 2024. Cryptic taxa revealed through combined analysis of Chromosomes and DNA

	Barcodes: The <i>Polyommatus ripartii</i> Species Complex in Armenia and NW Iran. <i>Insects</i>, 15(7): 545. https://doi.org/10.3390/insects15070545
--	--